

# Random Forests

M. Gruber

KW 47, Rev.1

In [Bre01b] ist die Rede von zwei grundverschiedenen Ansätzen des statistischen Modellierens, nämlich von “*The Data Modeling Culture*” versus “*The Algorithmic Modeling Culture*”. *Random Forests* geht auf Leo Breiman zurück und fällt in die zweite Kategorie. Der Algorithmus wurde in [Bre01a] erstmals vorgestellt. In [Bre] finden Entwickler und Anwender Hinweise für die praktische Anwendung. Im akademischen Bereich wird die Methode *Random Forests* heute vor allem von Adele Cutler vertreten (siehe [CCS]). Es gibt eine R-Version, die die Entwickler in [LW02] kommentieren.

Unsere Einführung in die Methode *Random Forests* beschränkt sich der Einfachheit halber auf den Klassifizierungsfall. Der Regressionsfall unterscheidet sich aber nicht wesentlich. Wir setzen die R-Implementierung *randomForest* ein. Unsere Beispieldaten sind die Irisdaten [Fis36].

*Random Forests* ist eine Ensemblemethode. Auf der Lernmenge werden viele — ein Wald (“*forest*”) — Klassifikations- bzw. Regressionsbäumen von nicht allzugroßer Tiefe entwickelt. Das Kollektiv dieser Bäume stellt den resultierenden Prädiktor dar. Der Ausgabewert des Prädiktors ist der Wert, für den die Mehrheit der Klassifizierungsbäume votiert. Dieses demokratische Konzept bewährt sich erstaunlich gut.

Betrachten wir einen einzelnen Klassifizierungsbaum näher. Die R-Version *randomForest* gestattet es, den Parameter *ntree* auf den Wert 1 zu setzen. Im Anwendungsfall wäre dieser Wert untypisch, denn gewöhnlich arbeitet die Methode mit Hunderten von Bäumen. Mit *ntree* = 1 erhalten wir einen einzigen Klassifizierungsbaum wie etwa den in Abb. 1. Er ist auf einem *Bootstrap sample* (Ziehen mit Zurücklegen) vom Umfang  $N = 150$  entstanden. *Bootstrap samples* lassen etwa ein Drittel der Daten ungenutzt (wegen  $(1 - 1/N)^N \rightarrow 1/e$ ). Die ungenutzten Daten werden zur Validierung des Baumes herangezogen. Der festgestellte Validierungsfehler des Baumes ist sein *out-of-bag error*. Er beträgt in unserem Beispiel 3.4% (vgl. Abb. 2).

Bei der Entwicklung des Baumes wird das *Bootstrap sample* rekursiv binär geteilt. Bei jeder Teilung wird eine bestimmte Zahl (z.B.  $\sqrt{d}$ , wenn  $d$  die die Dimension der Inputmenge ist) zufällig gezogener Attribute auf ihre Eignung zum Teilen der vorliegenden Menge geprüft. Geteilt wird eine Menge  $\mathcal{S}$  — wenn  $k$  die Nummer des zur Teilung herangezogenen Attributs ist — in eine “linke” Teilmenge  $\mathcal{S}_L = \{x \in \mathcal{S} \mid x_k < \eta\}$  und eine “rechte” Teilmenge  $\mathcal{S}_R = \{x \in \mathcal{S} \mid x_k \geq \eta\}$ .

Welches der zufällig gezogenen Attribute zur Teilung verwendet wird, hängt von der Güte der

Teilung ab, zu der es fähig ist. Die Güte einer Teilung wird mit der Reinheit der entstehenden Teilmengen gemessen. Im Irisbeispiel gibt es die Klassen  $i = 1, 2, 3$  (für Iris-setosa, Iris-versicolor und Iris-virginica). Eine Teilung ist umso besser, je kleiner der Giniwert

$$n_L \sum_{1 \leq i \leq 3} p_{iL}(1 - p_{iL}) + n_R \sum_{1 \leq i \leq 3} p_{iR}(1 - p_{iR}) \quad (1)$$

ist. Dabei ist  $p_{iL}$  die relative Häufigkeit der Klasse  $i$  in der linken bzw.  $p_{iR}$  deren relative Häufigkeit in der rechten Teilmenge. Die Zahlen  $n_L$  und  $n_R$  sind die Mächtigkeiten der linken bzw. rechten Teilmenge. Für jedes Attribut wird zur Berechnung des Gini-Wertes der beste Schwellenwert  $\eta$  genommen. Von den als Kandidaten ausgelosten Attributen gewinnt das mit dem kleinsten Giniwert. Siegerattribute und Schwellenwerte sind in Abb.1 zu sehen.

Die Gesamtheit der Bäume stellt den *random forest* dar.

Ein interessantes Nebenprodukt des Erzeugungsprozesses ist die *variable importance*, angegeben in der Spalte MeanDecreaseGini in Abb.3. Sei  $V$  die betrachtete Variable. Zur Berechnung der Wichtigkeit von  $V$  werden alle Teilungen ausgewertet, zu denen  $V$  herangezogen wurde. Die jeweils realisierten Giniwertdifferenzen werden aufaddiert und die Summe durch die Anzahl der Bäume dividiert.

Ein anderes Wichtigkeitsmaß ist die MeanDecreaseAccuracy. Man hat bereits den OOB-Klassifizierungsfehler (OOB steht für *out-of-bag*). Permutiert man in der OOB-Menge die Wertebelegung für das Attribut  $V$ , erhält man einen OOB-Klassifizierungsfehler einer fiktiven Lernmenge. In der Regel ist er größer als der der echten Lernmenge. Die Zunahme ist die MeanDecreaseAccuracy. Sie wird klassenweise oder klassenübergreifend angegeben.

## Literatur

- [Bre] Leo Breiman. Manual on setting up, using, and understanding Random Forests V4.0.
- [Bre01a] Leo Breiman. Random Forests. *Mach. Learn.*, 45(1):5–32, October 2001.
- [Bre01b] Leo Breiman. Statistical modeling: The two cultures. *Statistical Science*, 2001.
- [CCS] Adele Cutler, David Richard Cutler, and John R Stevens. Random Forests. In *Ensemble machine learning*, pages 157–175. Springer US.
- [Fis36] Ronald Aylmer Fisher. Iris Data Set, 1936.
- [LW02] Andy Liaw and Matthew Wiener. Classification and Regression by randomForest. *R News*, 2(3):18–22, 2002.

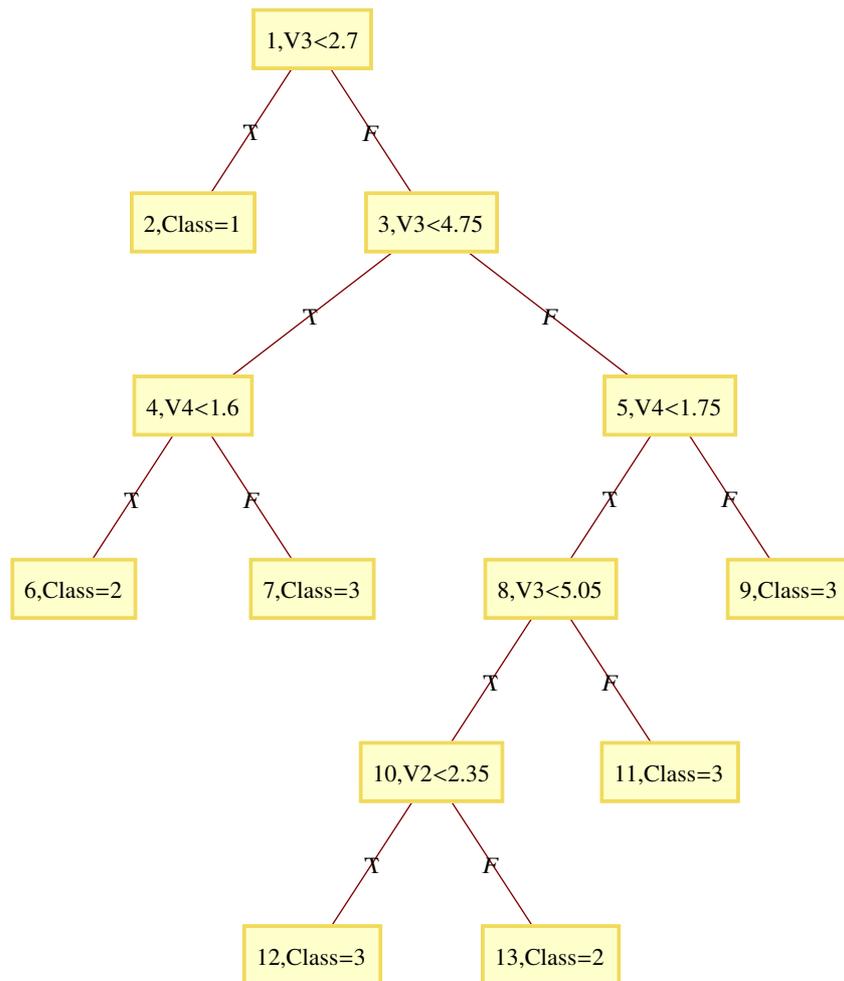


Abbildung 1: Ein typischer Klassifizierungsbaum in *Random Forests*.

```

$call
randomForest(formula = formula.rf, data = iris.local, importance = TRUE,
             ntree = 1)

$type
[1] "classification"

$predicted
  1  2  3  4  5  6  7  8  9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20
<NA> <NA> 1  1 <NA> <NA> 1  1  1 <NA> <NA> 1  1  1 <NA> <NA> <NA> <NA> <NA> <NA>
 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36 37 38 39 40
  1 <NA> 1 <NA> 1 <NA> 1  1 <NA> 1 <NA> <NA> 1 <NA> 1  1 <NA> <NA> <NA> <NA> 1
 41 42 43 44 45 46 47 48 49 50 51 52 53 54 55 56 57 58 59 60
<NA> <NA> <NA> 1  1 <NA> <NA> 1  1  1  2 <NA> <NA> <NA> 2 <NA> 2 <NA> 2 <NA>
 61 62 63 64 65 66 67 68 69 70 71 72 73 74 75 76 77 78 79 80
  2  2 <NA> <NA> <NA> 2 <NA> 2 <NA> 2 <NA> <NA> 2 <NA> <NA> 2  2 <NA>
 81 82 83 84 85 86 87 88 89 90 91 92 93 94 95 96 97 98 99 100
<NA> 2 <NA> <NA> <NA> <NA> <NA> 2 <NA> 2  2 <NA> <NA> <NA> <NA> <NA> <NA> <NA> <NA> <NA>
101 102 103 104 105 106 107 108 109 110 111 112 113 114 115 116 117 118 119 120
<NA> 3 <NA> <NA> <NA> <NA> 2 <NA> 3 <NA> <NA> 3  3 <NA> <NA> <NA> 3 <NA> 3  2
121 122 123 124 125 126 127 128 129 130 131 132 133 134 135 136 137 138 139 140
  3 <NA> <NA> <NA> 3 <NA> <NA> 3 <NA> <NA> <NA> <NA> 3 <NA> <NA> <NA> <NA> 3 <NA> <NA>
141 142 143 144 145 146 147 148 149 150
  3 <NA> <NA> 3  3 <NA> <NA> <NA> 3  3
Levels: 1 2 3

$err.rate
      OOB 1 2      3
[1,] 0.03448276 0 0 0.1111111

$con fusion
  1  2  3 class.error
1 23 0 0 0.0000000
2  0 17 0 0.0000000
3  0  2 16 0.1111111

```

Abbildung 2: R-Ausgabe nach Erzeugung eines Klassifizierungsbaumes.

	1	2	3	MeanDecreaseAccuracy	MeanDecreaseGini
V1	0.0000000	0.0000000	0.0000000	0.0000000	1.3333333
V2	0.0000000	0.0000000	0.0000000	0.0000000	0.4166667
V3	0.0000000	0.1176471	0.0000000	0.03448276	12.0628205
V4	0.6521739	0.7058824	0.2777778	0.55172414	82.3338462

Abbildung 3: R-Ausgabe zur *Variable importance*.